



I-068 - GENOTIPOS DEL VIRUS DE LA HEPATITIS C (VHC) EN EL ÁREA DE CUENCA. ESTUDIO DE PREVALENCIA 2010-2017

G. Seseña del Olmo¹, M. Serrano Cazorla², A. Peña Cabia³, M. Giménez Alarcón³, C. Fernández González¹, Q. Malo Casero¹, M. Rodríguez Escudero¹ y E. Bermejo Saiz²

¹Microbiología, ²Medicina Interna, ³Análisis Clínicos. Hospital General Virgen de la Luz. Cuenca.

Resumen

Objetivos: Determinar la prevalencia de los genotipos del VHC diagnosticado en el área de Cuenca durante el período comprendido entre 2010 a 2017. Valorar los posibles cambios de prevalencia de los genotipos asociados a sexo y grupo etario.

Material y métodos: Realizamos un estudio retrospectivo consultando la base de datos de microbiología con todos los casos de pacientes infectados por el VHC a los que se les había realizado la determinación del genotipo entre los años 2010 al 2017. Se recopilaban los datos epidemiológicos de sexo y edad de los pacientes.

Resultados: Durante el período de estudio se determinó el genotipo a 326 pacientes infectados por el VHC. La mayoría de los casos correspondieron a hombres con un total de 216 casos (66,25%) y 110 mujeres (33,75%). La mediana de edad fue de 49 años con un rango de 26-88 años. La distribución de los genotipos se presenta en la tabla, estratificada por sexo y grupos etarios. En dos de los pacientes no constaba el dato de la edad por lo que no fueron incluidos en los grupos etarios.

Genotipos clasificados por sexo y edad

Genotipo	Pacientes totales (326)	Hombres (216)	Mujeres (110)	Edad 26-50 años (179)	Edad 51-65 años (92)	Edad > 65 años (53)
1a	68 (22,4%)	53 (24,5%)	20 (18,2%)	54 (30,2%)	17 (18,5%)	2 (3,8%)
1a+1b	14 (4,3%)	11 (5,1%)	3 (2,7%)	8 (4,5%)	6 (6,5%)	-
1b	148 (45,4%)	85 (39,4%)	63 (57,3%)	60 (33,1%)	42 (45,7%)	44 (83%)
2	10 (3%)	6 (2,8%)	4 (3,6%)	3 (1,7%)	3 (3,3%)	4 (7,5%)
3	52 (16%)	36 (16,6%)	16 (14,5%)	35 (19,5%)	16 (17,4%)	1 (1,9%)
4	27 (8,3%)	24 (11,1%)	3 (2,7%)	19 (10,6%)	8 (8,7%)	-
5	2 (0,6%)	1 (0,5%)	1 (0,9%)	-	-	2 (3,8%)

Discusión: La erradicación de la infección por el VHC se ha convertido en uno de los objetivos fundamentales del sistema nacional de salud. La mayoría de los casos de esta infección se deben al genotipo 1b, nuestra área sanitaria no es una excepción como refleja nuestro estudio. Con la instauración progresiva de las pautas pangnotípicas la determinación del genotipo podría llegar a

tener un valor relativo a la hora de la elección del tratamiento, si bien seguirá siendo una herramienta útil a la hora de determinar la epidemiología de la infección.

Conclusiones: El genotipo 1b es el más frecuentemente detectado en nuestra población en todos los estratos tanto por sexo como por edad. Es aún más frecuente en mujeres, donde contando con las coinfecciones con el genotipo 1a el porcentaje llega al 60%. En la estratificación por edad destaca la alta prevalencia del genotipo 1b en el grupo de mayores de 65 años. En el grupo etario de hasta 25 años no se ha detectado infección por VHC en nuestro área en el período de estudio.