



## IF-30. - IL23R, IL-10 Y OTROS GENES NO HLA EN ENFERMEDAD DE BEHÇET: UN ESTUDIO MULTICÉNTRICO EN POBLACIÓN ESPAÑOLA

M. Conde Jaldón<sup>1</sup>, M. Montes Cano<sup>1</sup>, J. García Lozano<sup>1</sup>, L. Ortiz Fernández<sup>1</sup>, J. Martín<sup>2</sup>, M. González Escribano<sup>1</sup>, N. Ortego Centeno, M. Castillo Palma, G. Espinosa, G. Graña Gil, M. González Gay, A. Barnosi Marín, R. Solans, S. Castañeda, en representación del Grupo de Trabajo Enfermedad de Behçet

<sup>1</sup>Servicio de Inmunología. Complejo Hospitalario Virgen del Rocío. Sevilla (Sevilla) <sup>2</sup>Servicio de Inmunología. IPB López Neyra. Granada.

### Resumen

**Objetivos:** Las moléculas HLA se han asociado con la enfermedad de Behçet (EB), pero la contribución de esta región representa aproximadamente sólo el 20% del componente genético de la enfermedad. Genes situados fuera de esta región se han relacionado también con la enfermedad en diversos estudios. El objetivo de este trabajo es replicar diferentes asociaciones descritas en otras poblaciones entre genes no-HLA y EB en un estudio multicéntrico en población española.

**Métodos:** Se incluyeron un total de 304 pacientes con EB y 313 controles. Se genotiparon los siguientes SNPs: rs11206377, rs17375018, rs7517847, rs1343151, rs3024498, rs2222202, rs1800872, rs317711, rs2061634, rs4936742 y rs7999348. Todos ellos habían sido previamente descritos como asociados a EB y presentaban una frecuencia del alelo minoritario (MAF) > 0,15 en población CEU. El estudio genético se realizó mediante sondas TaqMan®. La distribución de frecuencias se comparó mediante la prueba de  $\chi^2$ . La odds ratio (OR) y los intervalos de confianza del 95% (IC95%) se calcularon según el método de Wolf, s con el programa StatCalc. Los valores de  $p \leq 0,05$  fueron considerados significativos. Las interacciones gen-gen se analizaron mediante el modelo Multifactor Dimensionality Reduction (MDR)

**Resultados:** De acuerdo con los resultados del análisis univariante, tres SNP localizados en IL23R y uno de los SNPs de IL10 presentaban diferencias en las frecuencias alélicas entre el grupo de pacientes y el de controles: rs17375018G (0,74 vs 0,68,  $p = 0,01$ , OR = 1,37, IC del 95% 1,06-1,78), rs7517847T (0,67 vs 0,57,  $p = 0,0001$ , OR = 1,59, IC95% 1,25-2,2) y rs1343151G (0,67 vs 0,60,  $p = 0,01$ , OR = 1,36, IC95% 1,07-1,73) rs2222202G (0,66 vs 0,59,  $p = 0,01$ , OR = 1,35, IC95% 1,06-1,71). Cuando se estratificaron pacientes y controles de acuerdo con la presencia/ausencia de factores de riesgo para HLA-B, el rs17375018G ( $p = 0,002$ , OR = 2,19, IC 1,30-3,71) y rs7517847T ( $p = 0,03$ , OR = 1,68 IC95% 95% 1,01-2,79) se asociaron significativamente en pacientes con factores de riesgo HLA-B, mientras que rs2222202G se asoció de manera significativa en los pacientes sin factores de riesgo HLA-B ( $p = 0,03$ , OR = 1,40, IC95% 1,02-1,94). Finalmente, el análisis mediante MDR sugirió una relación sinérgica entre IL23R e IL10.

**Conclusiones:** IL-23R e IL10 se encuentran asociadas con la enfermedad de Behçet en nuestra población, pero su efecto podría depender de la presencia o ausencia de factores HLA de riesgo.  
0014-2565/© 2013, Elsevier España S.L.U. y Sociedad Española de Medicina Interna (SEMI). Todos los derechos reservados.